

Diplomado

Trombosis en la Era Genómica: Estudios de Secuenciación Masiva





Diplomado

Trombosis en la Era Genómica: Estudios de Secuenciación Masiva

- » Modalidad: **online**
- » Duración: **6 semanas**
- » Titulación: **TECH Universidad Tecnológica**
- » Dedicación: **16h/semana**
- » Horario: **a tu ritmo**
- » Exámenes: **online**

Acceso web: www.techtute.com/medicina/curso-universitario/trombosis-era-genomica-estudios-secuenciacion-masiva

Índice

01

Presentación

pág. 4

02

Objetivos

pág. 8

03

Dirección del curso

pág. 12

04

Estructura y contenido

pág. 18

05

Metodología

pág. 22

06

Titulación

pág. 30

01

Presentación

La genética es uno de los factores principales causantes de las trombosis, además de otros factores ambientales, como la dieta o el tabaquismo. Los avances en genómica permiten mejorar los tratamientos para las personas que sufren estas patologías, por lo que es imprescindible que el profesional mejore sus conocimientos en este ámbito.





“

La trombosis en el ámbito oncológico es una enfermedad que se puede prevenir y curar, pero que sigue ocasionando un elevado número de muertes”

La trombosis es una patología que puede afectar a cualquier persona, independientemente de su edad, y que, con frecuencia, no se suele diagnosticar, pudiendo llegar a convertirse en una enfermedad grave. Por ello, realizar una detección precoz sobre la trombosis venosa es imprescindible para tratar esta enfermedad y disminuir las secuelas que puedan ocasionar en los pacientes. También existen medidas preventivas, como las físicas o las farmacológicas.

Durante el estudio de este Diplomado, el alumno se centrará en la medicina genómica aplicada al tratamiento de la trombosis venosa. El programa ha sido diseñado por especialistas en este ámbito, por lo que los estudiantes recibirán una especialización completa y específica de la mano de expertos en la materia.

Así, con esta especialización se pretenden establecer las bases del conocimiento en este campo, partiendo de la base genética y el estudio molecular en trombosis y hemostasia. Los alumnos también estudiarán las técnicas de secuenciación del ADN y los análisis bioinformáticos de datos NGS, para conocer las perspectivas de futuro en las tecnologías NGS.

Por tanto, después de realizar y superar el Diplomado, los alumnos habrán adquirido conocimientos teóricos necesarios para llevar a cabo un tratamiento efectivo de la enfermedad tromboembólica venosa en la era genómica en los principales ámbitos de actuación del profesional.

Este **Diplomado en Trombosis en la Era Genómica: Estudios de Secuenciación Masiva** contiene el programa científico más completo y actualizado del mercado. Sus características más destacadas son:

- ♦ El desarrollo de casos prácticos presentados por expertos en Trombosis en la Era Genómica
- ♦ Los contenidos gráficos, esquemáticos y eminentemente prácticos con los que están concebidos recogen una información científica y práctica sobre aquellas disciplinas indispensables para el ejercicio profesional
- ♦ Las novedades sobre Trombosis en la Era Genómica
- ♦ Los ejercicios prácticos donde realizar el proceso de autoevaluación para mejorar el aprendizaje
- ♦ Su especial hincapié en metodologías innovadoras en Trombosis en la Era Genómica
- ♦ Las lecciones teóricas, preguntas al experto, foros de discusión de temas controvertidos y trabajos de reflexión individual
- ♦ La disponibilidad de los contenidos desde cualquier dispositivo fijo o portátil con conexión a internet



No dejes pasar la oportunidad de realizar este Diplomado en Trombosis en la Era Genómica con nosotros. Es la oportunidad perfecta para avanzar en tu carrera”

“

Este Diplomado puede ser la mejor inversión que puedes hacer en la selección de un programa de actualización por dos motivos: además de poner al día tus conocimientos en Trombosis en la Era Genómica: Estudios de Secuenciación Masiva, obtendrás una titulación avalada por TECH Universidad Tecnológica”

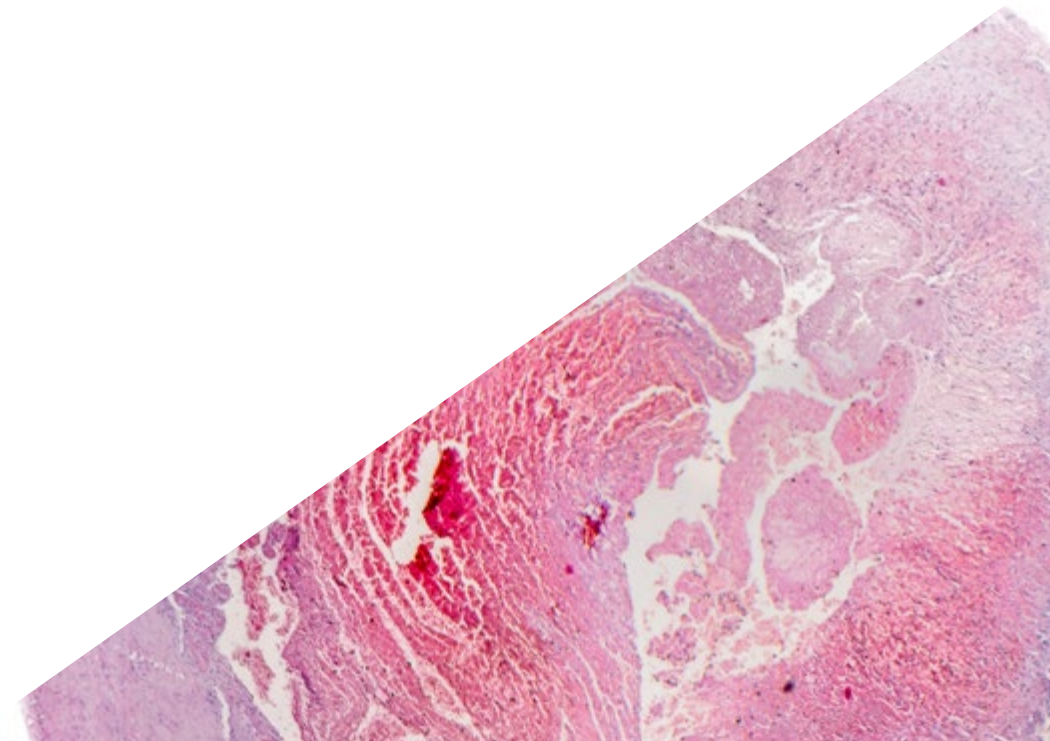
Incluye, en su cuadro docente, a profesionales pertenecientes al ámbito de Trombosis en la Era Genómica, que vierten en esta especialización la experiencia de su trabajo, además de reconocidos especialistas de sociedades de referencia y universidades de prestigio.

Su contenido multimedia, elaborado con la última tecnología educativa, permitirá al profesional un aprendizaje situado y contextual, es decir, un entorno simulado que proporcionará una especialización inmersiva programada para entrenarse ante situaciones reales.

El diseño de este programa se centra en el Aprendizaje Basado en Problemas, mediante el cual el especialista deberá tratar de resolver las distintas situaciones de práctica profesional que se le planteen a lo largo del programa. Para ello, el profesional contará con la ayuda de un novedoso sistema de vídeo interactivo realizado por reconocidos expertos en Trombosis en la Era Genómica y con gran experiencia.

Esta especialización cuenta con el mejor material didáctico, lo que permitirá un estudio contextual que te facilitará el aprendizaje.

Este Diplomado 100% online te permitirá compaginar tus estudios con tu labor profesional a la vez que aumentas tus conocimientos en este ámbito.



02

Objetivos

El Diplomado en Trombosis en la Era Genómica: Estudios de Secuenciación Masiva, está orientado a facilitar la actuación del profesional dedicado a la biomedicina con los últimos avances y tratamientos más novedosos en el sector.



“

Esta es la mejor opción para conocer los últimos avances en Trombosis en la Era Genómica”

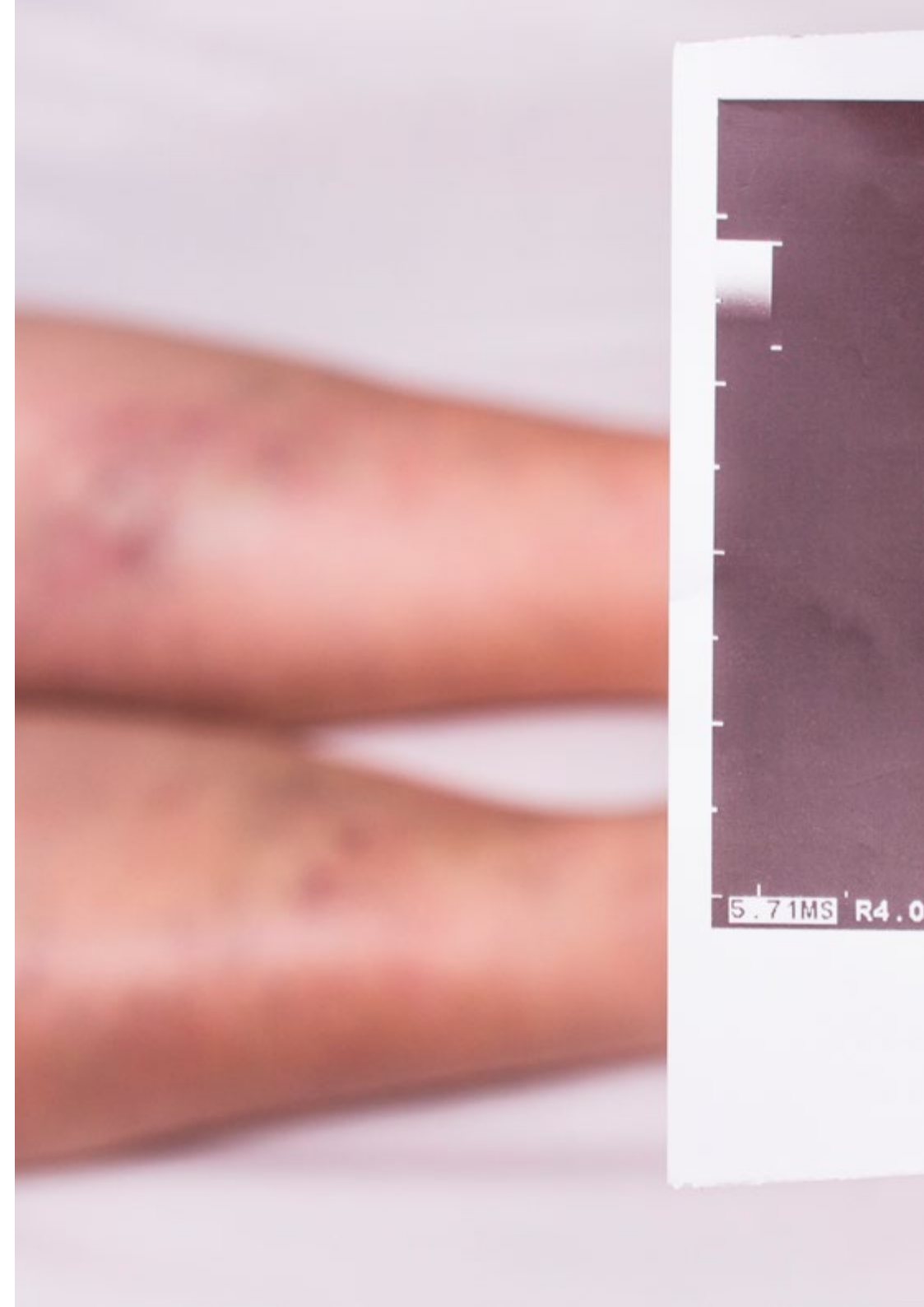


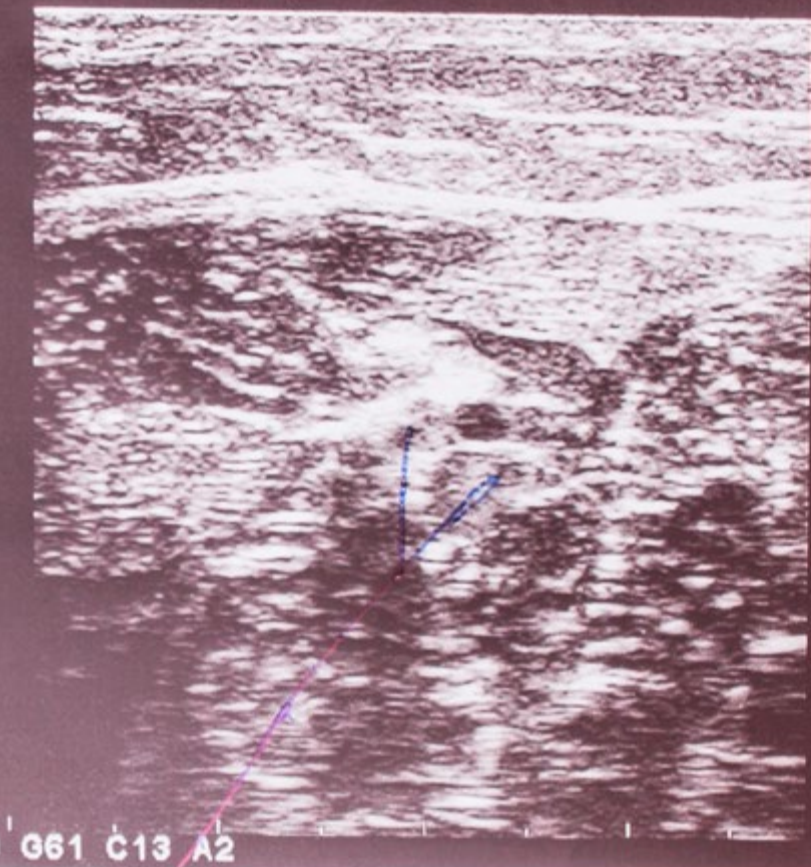
Objetivos generales

- ♦ Profundizar en el conocimiento de la enfermedad tromboembólica venosa como enfermedad compleja
- ♦ Formar en el ámbito de los datos ómicos y los métodos bioinformáticos aplicados a la Medicina de Precisión
- ♦ Estar al día en las últimas actualizaciones de esta enfermedad

“

Actualiza tus conocimientos a través del programa de Diplomado en Trombosis en la Era Genómica: Estudios de Secuenciación Masiva”





Objetivos específicos

- ♦ Conocer la base genética y el estudio molecular en la trombosis y hemostasia
- ♦ Identificar las técnicas de secuenciación del DNA
- ♦ Adentrarse en el conocimiento del análisis bioinformático de datos NGS
- ♦ Aprender a interpretar los resultados de la NGS en trombosis y hemostasia
- ♦ Conocer las perspectivas de futuro en las tecnologías NGS

03

Dirección del curso

El programa incluye en su cuadro docente a expertos de referencia en la Trombosis en la Era Genómica, que vierten en esta especialización la experiencia de su trabajo. Además, participan en su diseño y elaboración otros expertos de reconocido prestigio que completan el programa de un modo interdisciplinar.



“

Los principales profesionales en la materia se han unido para enseñarte los últimos avances en Trombosis en la Era Genómica”

Dirección



Dr. Soria, José Manuel

- ♦ Grup de Genòmica de Malalties Complexes
- ♦ Institut de Recerca de l'Hospital de Sant Pau (IIB Sant Pau)
- ♦ Hospital de la Santa Creu i Sant Pau. Barcelona

Profesores

Dra. López del Río, Ángela

- ♦ Bioinformatics and Biomedical Signals Laboratory (B2SLab). Universitat Politècnica de Catalunya. Barcelona
- ♦ Ingeniera biomédica por la Universidad Politécnica de Madrid
- ♦ Máster en la Universidad de Barcelona-Universidad Politécnica de Cataluña
- ♦ Participación en el European Bioinformatics Institute (EBI-EMBL) en Cambridge, Reino Unido
- ♦ Centro de investigación Biomédica de la Universidad Politécnica de Cataluña

Dra. Marzo, Cristina

- ♦ Licenciatura en Medicina y Cirugía Facultad de Medicina de Zaragoza. Universidad de Zaragoza
- ♦ Máster Título Propio en Tratamiento Anticoagulante con la calificación de Sobresaliente. Universidad Católica San Antonio. Murcia
- ♦ Título de Máster en Coagulopatías Congénitas y Adquiridas. Universidad de Alcalá
- ♦ Médico adjunto del Servicio de Hematología y Hemoterapia. Unidad de Hemostasia. Hospital Universitario Arnau de Vilanova de Lleida



Dr. Muñoz Martín, Andrés J.

- ◆ Licenciado en Medicina y Cirugía, Universidad Autónoma de Madrid
- ◆ Doctor en Medicina, Premio Extraordinario, Universidad Complutense de Madrid
- ◆ Diplomado en Bioestadística en Ciencias de la Salud, Universidad Autónoma de Barcelona
- ◆ Médico Adjunto Servicio de Oncología Médica. Unidad de Tumores Digestivos. Responsable del Programa de Investigación Tumores Hepato-Bilio-Pancreáticos y Cáncer y Trombosis. Hospital General Universitario Gregorio Marañón, Madrid
- ◆ Profesor colaborador de Docencia Práctica, Departamento de Medicina, Facultad de Medicina, Universidad Complutense de Madrid
- ◆ Vicepresidente del Comité de Ética e Investigación Clínica (CEIC) del Hospital General Universitario Gregorio Marañón, Madrid
- ◆ Coordinador de la Sección Cáncer y Trombosis de la Sociedad Española de Oncología Médica (SEOM)

Dra. Llamas, Pilar

- ◆ Doctora en Medicina y Cirugía
- ◆ Licenciada en Medicina y Cirugía, Universidad de Córdoba. Junio 1989 ;Premio Extraordinario
- ◆ Jefe Corporativo del departamento de Hematología y Hemoterapia de los Hospitales Quironsalud Madrid Públicos; Hospitales Universitarios Fundación Jiménez Díaz, Rey Juan Carlos, Infanta Elena y Hospital General de Villalba

Dra. Pina Pascual, Elena

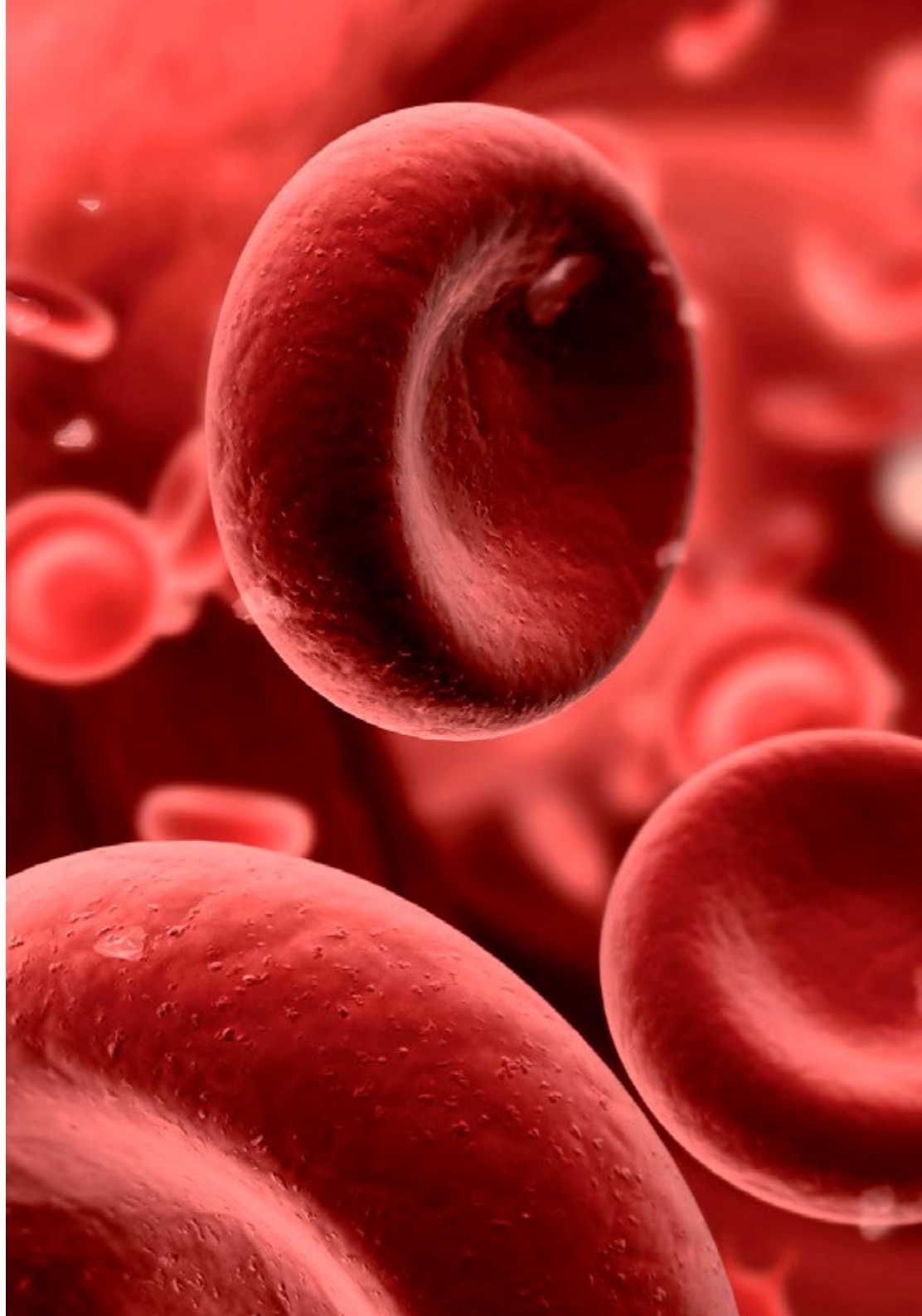
- ♦ Licenciada en Medicina y Cirugía por la Universidad Autónoma de Barcelona
- ♦ Especialista en Hematología y Hemoterapia a través del programa MIR en el Hospital Universitario de Bellvitge
- ♦ Desde 2005, adjunto del Servicio de Trombosis y Hemostasia del Hospital Universitario de Bellvitge
- ♦ Coordinadora de la Unidad Funcional de la enfermedad tromboembólica venosa del Hospital de Bellvitge desde diciembre del 2007. Miembro de la comisión de Trombosis asociada a cáncer del Institut Català d'Oncologia (ICO)

Dña. Ruperez Blanco, Ana Belen

- ♦ Licenciada en Medicina por la Universidad Complutense de Madrid
- ♦ Especialista en Oncología Médica en el Hospital General Universitario Gregorio Marañón
- ♦ Médico Adjunto del Servicio de Oncología Médica. Unidad de Tumores Digestivos, Sarcomas y tumores Cutáneos. Hospital Virgen de la Salud. Toledo
- ♦ Master especialista en ETV y Cáncer por la Universidad Católica San Antonio de Murcia
- ♦ Miembro de la Sección Cáncer y Trombosis de la Sociedad Española de Oncología Médica (SEOM)

Dra. Sabater Lleal, María

- ♦ Graduada en Biología en 2000 en la Universidad de Barcelona
- ♦ Especializada en Biomedicina
- ♦ Doctorado en genética en 2006 en la Universidad de Barcelona
- ♦ Grup de Genòmica de Malalties Complexes. Institut de Recerca de l'Hospital de Sant Pau (IIB Sant Pau). Hospital de la Santa Creu i Sant Pau. Barcelona
- ♦ Investigadora Asociada en Genética Cardiovascular en La Unidad de Medicina Cardiovascular (KI)



Dr. Souto, Juan Carlos

- ♦ Licenciado en Medicina y Cirugía en la Extensión Universitaria de la UCB en Lleida en 1987
- ♦ Especialista en Hematología y Hemoterapia
- ♦ Doctor en Medicina y Cirugía por la UAB
- ♦ Miembro del staff de Hematología, ininterrumpidamente hasta la fecha. Actualmente es el responsable de la Sección de Diagnóstico e Investigación Traslacional de Enfermedades de la Hemostasia
- ♦ Desarrolla su labor asistencial en la Consulta de tratamiento antitrombótico y de enfermedades tromboembólicas y hemorrágicas. Es miembro electo en 2017 del Consell Directiu del Cos Facultatiu del Hospital
- ♦ Autor de 160 artículos científicos en revistas indexadas, en 35 como primer firmante
- ♦ Autor de 290 comunicaciones científicas a Congresos nacionales e Internacionales
- ♦ Miembro del Equipo de Investigación en 21 Proyectos de Investigación competitivos, en 7 de ellos, como Investigador Principal
- ♦ Responsable de los proyectos científicos GAIT 1 y 2 (Genetic Analysis of Idiopathic Thrombophilia) desarrollado desde 1995 hasta el presente; ACOA (Alternative Control of Oral Anticoagulation) entre 2000 y 2005; RETROVE (Riesgo de Enfermedad TROMboembólica Venosa) iniciado en 2012; MIRTO (Modelling the Individual Risk of Thrombosis in Oncology), desde 2015
- ♦ Senior Data Analyst (CNAG-CRG)

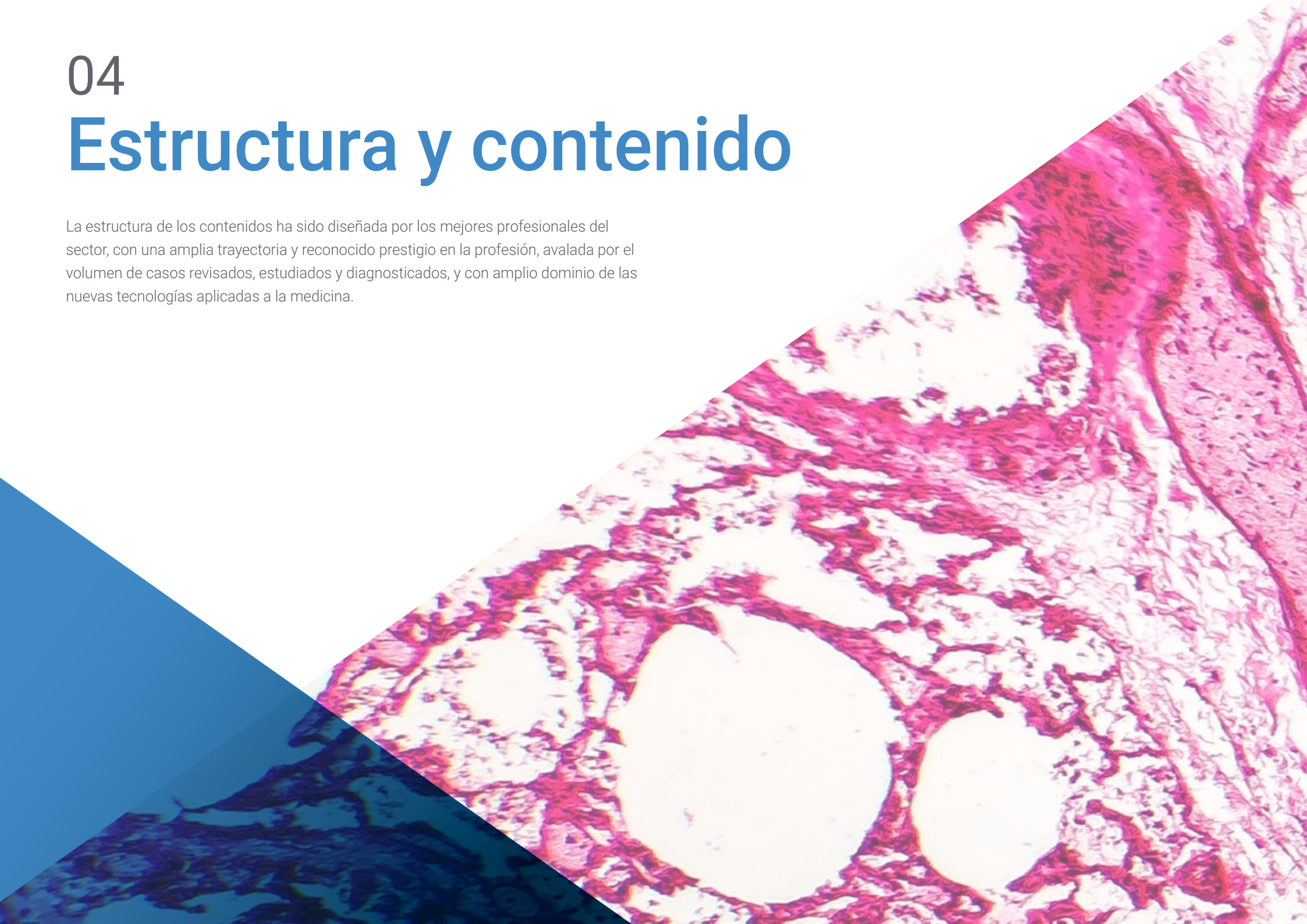
Dr. Vidal, Francisco

- ♦ Licenciado en Biología en la Universitat de Barcelona
- ♦ Programa Oficial de Doctorado en Bioquímica y Biología Molecular y Genética. Universitat de Barcelona
- ♦ Executive Master in Healthcare Organization. ESADE Business School/ Ramon Llull University
- ♦ Facultativo especialista del Banco de Sangre y Tejidos (BST). Barcelona

04

Estructura y contenido

La estructura de los contenidos ha sido diseñada por los mejores profesionales del sector, con una amplia trayectoria y reconocido prestigio en la profesión, avalada por el volumen de casos revisados, estudiados y diagnosticados, y con amplio dominio de las nuevas tecnologías aplicadas a la medicina.





“

*Este Diplomado en Trombosis en la Era Genómica
contiene el programa científico más completo y
actualizado del mercado”*

Módulo 1. Trombosis en la era Genómica II: estudios de secuenciación masiva

- 1.1. Base genética y estudio molecular en trombosis y hemostasia
 - 1.1.1. Epidemiología molecular en trombosis y hemostasia
 - 1.1.2. Estudio genético de enfermedades congénitas
 - 1.1.3. Abordaje clásico del diagnóstico molecular
 - 1.1.4. Técnicas de diagnóstico indirecto o de ligamiento genético
 - 1.1.5. Técnicas de diagnóstico directo
 - 1.1.5.1. Cribado de mutaciones
 - 1.1.5.2. Identificación directa de la mutación
- 1.2. Técnicas de secuenciación del DNA
 - 1.2.1. Secuenciación tradicional de Sanger
 - 1.2.1.1. Características de la técnica, limitaciones y aplicación en trombosis y hemostasia
 - 1.2.2. Secuenciación de nueva generación o NGS
 - 1.2.2.1. Plataformas NGS en diagnóstico molecular
 - 1.2.2.2. Información general sobre la tecnología, las posibilidades y las limitaciones NGS versus secuenciación tradicional
 - 1.2.3. Secuenciación de tercera generación (TGS)
- 1.3. Diferentes abordajes del estudio genético mediante NGS
 - 1.3.1. Secuenciación de paneles de genes
 - 1.3.2. Secuenciación completa del exoma y secuenciación del genoma completo
 - 1.3.3. Transcriptómica por RNA-Seq
 - 1.3.4. Secuenciación de MicroRNAs
 - 1.3.5. Mapeo de interacciones proteínas–DNA con ChIP-Seq
 - 1.3.6. Análisis de epigenómica y metilación del DNA por NGS
- 1.4. Análisis bioinformáticos de datos NGS
 - 1.4.1. El reto del análisis bioinformático de los datos masivos generados por la NGS
 - 1.4.2. Necesidades informáticas para la gestión y análisis de datos NGS
 - 1.4.2.1. Almacenamiento, transferencia y uso compartido de datos NGS
 - 1.4.2.2. Potencia informática necesaria para el análisis de datos NGS
 - 1.4.2.3. Necesidades de *software* para el análisis de datos NGS
 - 1.4.2.4. Habilidades bioinformáticas necesarias para el análisis de datos NGS
 - 1.4.3. *Base Calling*, formato de archivo FASTQ y puntuación de calidad de la base
 - 1.4.4. Control y preprocesamiento de calidad de datos NGS
 - 1.4.5. Mapeo de lecturas
 - 1.4.6. Llamadas de variantes
 - 1.4.7. Análisis terciario
 - 1.4.8. Análisis de la variación estructural mediante NGS
 - 1.4.9. Métodos para la estimación de la variación del número de copias a partir de datos NGS
- 1.5. Concepto y tipos de mutación detectables por NGS
 - 1.5.1. Etiología molecular de los trastornos trombóticos y hemorrágicos
 - 1.5.2. Nomenclatura de las mutaciones
 - 1.5.3. Implicación funcional de las variantes/mutaciones identificadas
 - 1.5.4. Diferenciación entre mutación y polimorfismo
- 1.6. Bases de datos moleculares fundamentales en NGS
 - 1.6.1. Bases de datos específicas de locus (LSMD)
 - 1.6.2. Descripciones previas de la mutación en bases de datos
 - 1.6.3. Bases de datos de variantes detectadas en población sana mediante NGS
 - 1.6.4. Bases de datos moleculares con anotaciones clínicas
- 1.7. Análisis e interpretación de los resultados de la NGS en trombosis y hemostasia
 - 1.7.1. Validación de las mutaciones
 - 1.7.2. Concepto de patogenicidad de la mutación
 - 1.7.3. Correlación genotipo-fenotipo
 - 1.7.3.1. Estudios *in silico*
 - 1.7.3.2. Estudios de expresión
 - 1.7.3.3. Estudios funcionales *in vitro*

- 1.8. Papel de la NGS en asesoramiento genético y diagnóstico prenatal
 - 1.8.1. Asesoramiento genético en la era NGS
 - 1.8.2. Cuestiones éticas específicas de la NGS y la secuenciación del genoma completo para el asesoramiento genético y el diagnóstico clínico
 - 1.8.3. Diagnóstico y métodos prenatales convencionales
 - 1.8.4. Diagnóstico genético preimplantacional
 - 1.8.5. Diagnóstico prenatal no invasivo
 - 1.8.5.1. Uso de DNA fetal en la circulación materna para el diagnóstico prenatal
 - 1.8.5.2. Secuenciación de SNPs del DNA fetal circulante
 - 1.8.5.3. Limitaciones y desafíos de las pruebas prenatales no invasivas basadas en NGS
 - 1.8.5.4. Implementación clínica de pruebas prenatales no invasivas para aneuploidías
- 1.9. Perspectivas de futuro en las tecnologías NGS y análisis de datos
 - 1.9.1. Desarrollo tecnológico de la secuenciación a medio plazo
 - 1.9.2. Evolución de las herramientas bioinformáticas para el análisis de datos de secuenciación de alto rendimiento
 - 1.9.3. Estandarización y racionalización de los procesos analíticos NGS
 - 1.9.4. Computación paralela
 - 1.9.5. Computación en la nube

“

Esta especialización te permitirá avanzar en tu carrera de una manera cómoda”



05

Metodología

Este programa de capacitación ofrece una forma diferente de aprender. Nuestra metodología se desarrolla a través de un modo de aprendizaje de forma cíclica: ***el Relearning***.

Este sistema de enseñanza es utilizado, por ejemplo, en las facultades de medicina más prestigiosas del mundo y se ha considerado uno de los más eficaces por publicaciones de gran relevancia como el ***New England Journal of Medicine***.



“

Descubre el Relearning, un sistema que abandona el aprendizaje lineal convencional para llevarte a través de sistemas cíclicos de enseñanza: una forma de aprender que ha demostrado su enorme eficacia, especialmente en las materias que requieren memorización”

En TECH empleamos el Método del Caso

Ante una determinada situación, ¿qué debería hacer un profesional? A lo largo del programa, los estudiantes se enfrentarán a múltiples casos clínicos simulados, basados en pacientes reales en los que deberán investigar, establecer hipótesis y, finalmente, resolver la situación. Existe abundante evidencia científica sobre la eficacia del método. Los especialistas aprenden mejor, más rápido y de manera más sostenible en el tiempo.

Con TECH podrás experimentar una forma de aprender que está moviendo los cimientos de las universidades tradicionales de todo el mundo.



Según el Dr. Gérvas, el caso clínico es la presentación comentada de un paciente, o grupo de pacientes, que se convierte en «caso», en un ejemplo o modelo que ilustra algún componente clínico peculiar, bien por su poder docente, bien por su singularidad o rareza. Es esencial que el caso se apoye en la vida profesional actual, intentando recrear los condicionantes reales en la práctica profesional del médico.

“

¿Sabías que este método fue desarrollado en 1912, en Harvard, para los estudiantes de Derecho? El método del caso consistía en presentarles situaciones complejas reales para que tomaran decisiones y justificasen cómo resolverlas. En 1924 se estableció como método estándar de enseñanza en Harvard”

La eficacia del método se justifica con cuatro logros fundamentales:

1. Los alumnos que siguen este método no solo consiguen la asimilación de conceptos, sino un desarrollo de su capacidad mental, mediante ejercicios de evaluación de situaciones reales y aplicación de conocimientos.
1. El aprendizaje se concreta de una manera sólida en capacidades prácticas que permiten al alumno una mejor integración en el mundo real.
3. Se consigue una asimilación más sencilla y eficiente de las ideas y conceptos, gracias al planteamiento de situaciones que han surgido de la realidad.
4. La sensación de eficiencia del esfuerzo invertido se convierte en un estímulo muy importante para el alumnado, que se traduce en un interés mayor en los aprendizajes y un incremento del tiempo dedicado a trabajar en el curso.



Relearning Methodology

TECH aúna de forma eficaz la metodología del Estudio de Caso con un sistema de aprendizaje 100% online basado en la reiteración, que combina 8 elementos didácticos diferentes en cada lección.

Potenciamos el Estudio de Caso con el mejor método de enseñanza 100% online: el Relearning.

El profesional aprenderá mediante casos reales y resolución de situaciones complejas en entornos simulados de aprendizaje. Estos simulacros están desarrollados a partir de software de última generación que permiten facilitar el aprendizaje inmersivo.



Situado a la vanguardia pedagógica mundial, el método Relearning ha conseguido mejorar los niveles de satisfacción global de los profesionales que finalizan sus estudios, con respecto a los indicadores de calidad de la mejor universidad online en habla hispana (Universidad de Columbia).

Con esta metodología, se han capacitado más de 250.000 médicos con un éxito sin precedentes en todas las especialidades clínicas con independencia de la carga en cirugía. Nuestra metodología pedagógica está desarrollada en un entorno de máxima exigencia, con un alumnado universitario de un perfil socioeconómico alto y una media de edad de 43,5 años.

El Relearning te permitirá aprender con menos esfuerzo y más rendimiento, implicándote más en tu especialización, desarrollando el espíritu crítico, la defensa de argumentos y el contraste de opiniones: una ecuación directa al éxito.

En nuestro programa, el aprendizaje no es un proceso lineal, sino que sucede en espiral (aprender, desaprender, olvidar y reaprender). Por eso, se combinan cada uno de estos elementos de forma concéntrica.

La puntuación global que obtiene el sistema de aprendizaje de TECH es de 8.01, con arreglo a los más altos estándares internacionales.



Este programa ofrece los mejores materiales educativos, preparados a conciencia para los profesionales:



Material de estudio

Todos los contenidos didácticos son creados por los especialistas que van a impartir el curso, específicamente para él, de manera que el desarrollo didáctico sea realmente específico y concreto.

Estos contenidos son aplicados después al formato audiovisual, para crear el método de trabajo online de TECH. Todo ello, con las técnicas más novedosas que ofrecen piezas de gran calidad en todos y cada uno los materiales que se ponen a disposición del alumno.



Técnicas quirúrgicas y procedimientos en vídeo

TECH acerca al alumno las técnicas más novedosas, los últimos avances educativos y al primer plano de la actualidad en técnicas médicas. Todo esto, en primera persona, con el máximo rigor, explicado y detallado para contribuir a la asimilación y comprensión del estudiante. Y lo mejor de todo, pudiéndolo ver las veces que quiera.



Resúmenes interactivos

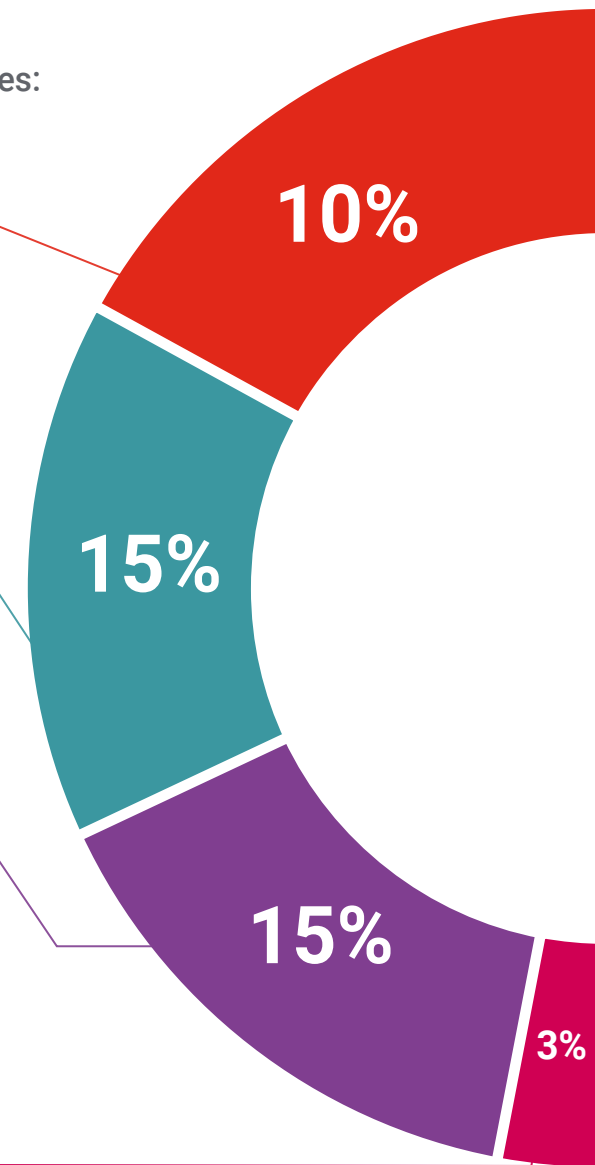
El equipo de TECH presenta los contenidos de manera atractiva y dinámica en píldoras multimedia que incluyen audios, vídeos, imágenes, esquemas y mapas conceptuales con el fin de afianzar el conocimiento.

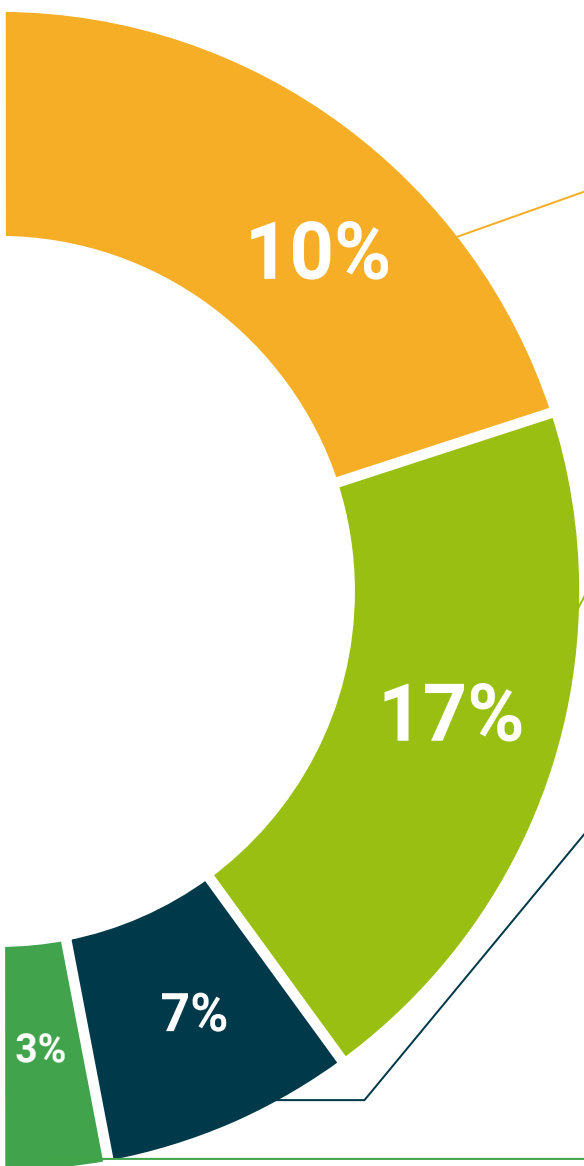
Este exclusivo sistema educativo para la presentación de contenidos multimedia fue premiado por Microsoft como "Caso de éxito en Europa".



Lecturas complementarias

Artículos recientes, documentos de consenso y guías internacionales, entre otros. En la biblioteca virtual de TECH el estudiante tendrá acceso a todo lo que necesita para completar su capacitación.





Análisis de casos elaborados y guiados por expertos

El aprendizaje eficaz tiene, necesariamente, que ser contextual. Por eso, TECH presenta los desarrollos de casos reales en los que el experto guiará al alumno a través del desarrollo de la atención y la resolución de las diferentes situaciones: una manera clara y directa de conseguir el grado de comprensión más elevado.



Testing & Retesting

Se evalúan y reevalúan periódicamente los conocimientos del alumno a lo largo del programa, mediante actividades y ejercicios evaluativos y autoevaluativos para que, de esta manera, el estudiante compruebe cómo va consiguiendo sus metas.



Clases magistrales

Existe evidencia científica sobre la utilidad de la observación de terceros expertos. El denominado Learning from an Expert afianza el conocimiento y el recuerdo, y genera seguridad en las futuras decisiones difíciles.



Guías rápidas de actuación

TECH ofrece los contenidos más relevantes del curso en forma de fichas o guías rápidas de actuación. Una manera sintética, práctica y eficaz de ayudar al estudiante a progresar en su aprendizaje.



06

Titulación

El Diplomado en Trombosis en la Era Genómica: Estudios de Secuenciación Masiva garantiza, además de la capacitación más rigurosa y actualizada, el acceso a un título de Diplomado expedido por TECH Universidad Tecnológica.



“

Supera con éxito este programa y recibe tu titulación universitaria sin desplazamientos ni farragosos trámites”

Este **Diplomado en Trombosis en la Era Genómica: Estudios de Secuenciación Masiva** contiene el programa científico más completo y actualizado del mercado.

Tras la superación de la evaluación, el alumno recibirá por correo postal* con acuse de recibo su correspondiente título de **Diplomado** emitido por **TECH Universidad Tecnológica**.

El título expedido por **TECH Universidad Tecnológica** expresará la calificación que haya obtenido en el Diplomado, y reunirá los requisitos comúnmente exigidos por las bolsas de trabajo, oposiciones y comités evaluadores de carreras profesionales.

Título: **Diplomado en Trombosis en la Era Genómica: Estudios de Secuenciación Masiva**

N.º Horas Oficiales: **150 h.**



*Apostilla de La Haya. En caso de que el alumno solicite que su título en papel recabe la Apostilla de La Haya, TECH EDUCATION realizará las gestiones oportunas para su obtención, con un coste adicional.



Experto Universitario Genómica de la Trombosis

- » Modalidad: online
- » Duración: 6 semanas
- » Titulación: TECH Universidad Tecnológica
- » Dedicación: 16h/semana
- » Horario: a tu ritmo
- » Exámenes: online

Diplomado

Trombosis en la Era Genómica: Estudios de Secuenciación Masiva

